

生物素 RNA Pull-Down 试剂盒（微生物）

Biotin-Labeled RNA Pull-Down Kit for Microorganism

产品信息

货号	产品名称	规格
FI8722-12T	Biotin-Labeled RNA Pull-Down Kit for Microorganism	12 次
FI8722-24T	Biotin-Labeled RNA Pull-Down Kit for Microorganism	24 次
FI8722-40T	Biotin-Labeled RNA Pull-Down Kit for Microorganism	40 次

产品描述

RNA pull-down 是检测目标 RNA 与其结合蛋白或结合 RNA 之间相互作用的主要方法之一。辉骏生物生产的生物素 RNA Pull-Down 试剂盒利用链霉亲和素磁珠与生物素之间的强亲和力，高效调取目标 RNA 及其结合蛋白或结合 RNA。

首先制备生物素标记的 RNA 探针，与样本裂解液孵育，RNA 探针与样本中的某些蛋白质或 RNA 结合形成复合物；链霉亲和素磁珠特异性捕获生物素标记的 RNA 探针，同时捕获其结合蛋白或结合 RNA；之后可以采用 Western Blot、质谱（LC-MS/MS）方法检测结合蛋白，或者采用 qPCR、测序（seq）方法检测结合 RNA。

试剂盒组分

编号	名称	12T 规格	24T 规格	40T 规格	储存条件
①	链霉亲和素磁珠	500 μ L	1 mL	1.7 mL	4 $^{\circ}$ C, 1 年
②	裂解缓冲液	7 mL	14 mL	22 mL	4 $^{\circ}$ C, 1 年
③	NT2 缓冲液	15 mL	30 mL	50 mL	4 $^{\circ}$ C, 1 年
④	RNA 结构缓冲液	650 μ L	1.3 mL	2.2 mL	4 $^{\circ}$ C, 1 年
⑤	漂洗液	32 mL	64 mL	105 mL	4 $^{\circ}$ C, 1 年
⑥	洗脱缓冲液	650 μ L	1.3 mL	2.2 mL	-20 $^{\circ}$ C, 1 年
⑦	蛋白酶抑制剂	230 μ L	460 μ L	760 μ L	-20 $^{\circ}$ C, 1 年
⑧	RNase 抑制剂	65 μ L	130 μ L	220 μ L	-20 $^{\circ}$ C, 1 年
⑨	10 mL 离心管	1 个	1 个	1 个	——

***注意：**该试剂盒包含足够完成 12、24 或 40 个反应的试剂，每个反应使用 40 μ L 磁珠。由于每次 pull-down 实验至少需要设置一个实验组和一个阴性对照组，因此一次实验至少需要使用 2 个反应的试剂量。

额外所需材料

1. 自备材料：生物素标记的 RNA 探针或制备探针所需的材料【T7 体外转录试剂盒、DNA 凝胶回收试剂盒、生物素 RNA 标记混合物（Biotin RNA labeling Mix）、RNA 纯化试剂盒（RNeasy Mini Kit）】，微量 RNA 提取试剂盒或提取 RNA 所需的材料【Trizol、氯仿、异丙醇、75%乙醇、RNase-free 水】，PBS。
2. 所需仪器：磁力架（辉骏产品货号 FI7101）、混匀仪、低温离心机、超声波破碎仪。

使用说明

I 注意事项

1. 请勿干燥或剧烈涡旋磁珠，禁止长时间置于磁场，这些操作可能会引起磁珠聚团，降低结合活性。
2. 为保证磁珠均匀分布，请在使用前通过反复颠倒、轻微涡旋彻底混匀磁珠。
3. 请务必使用无 RNase 的离心管、枪头等实验材料。
4. 具体样品量和孵育时间依赖于每个特定体系，可能需要优化才能得到最大产量。
5. 为了您的安全和健康，请穿实验服并戴一次性手套操作。

II 实验前准备工作

RNA 探针制备

- (1) 根据目标 RNA 序列设计带有 T7 启动子（TAATACGACTCACTATAGGG）的引物，以目标序列的 DNA 质粒为模板，PCR 分别获得 T7-正义 RNA（实验组）和 T7-反义 RNA（对照组）转录模板，按照 DNA 凝胶回收试剂盒说明书要求回收纯化目标 DNA：

引物名称	引物序列
正义链-正引物 (带 T7 启动子)	5'- TAATACGACTCACTATAGGG+目标 RNA 头部序列-3'
正义链-反引物	5'- 目标 RNA 尾部序列的反向互补序列 -3'
反义链-正引物	5'- 目标 RNA 头部序列 -3'
反义链-反引物 (带 T7 启动子)	5'- TAATACGACTCACTATAGGG+目标 RNA 尾部序列的反向互补序列 -3'

- (2) 以上述 DNA 为模板，按照自备的 RNA 体外转录试剂盒说明书配置反应体系，以下为示例（该体系和步骤可能因转录试剂盒的不同而有所差别，请务必根据试剂盒说明书操作）：

组分	用量
DNA 模板	0.5 µg
10*Reaction Buffer	2 µL
10*Biotin RNA labeling Mix	2 µL
T7 RNA Polymerase Enzyme Mix	2 µL
RNase-free H ₂ O	Up to 20 µL

37°C 孵育 2 h，再加入 1 µL DNase I，37°C 孵育 15 min 将 DNA 模板消化，得到正义和反义 RNA；

- (3) 为了避免转录产物中的游离生物素 UTP 竞争结合磁珠，此处最好采用 RNA 纯化试剂盒来处理转录产物，但此操作可能造成一定的产物损失，可以根据具体情况决定是否进行此步操作；
- (4) 取 2 μL RNA 检测浓度，取 1~2 μL RNA 进行 2%琼脂糖凝胶电泳检测 RNA 质量和长度；符合要求的 RNA 置于 -80℃ 保存或直接用于后续实验。

*** 注意：**

- i. 由于 RNA 容易降解，最好在 RNA pull-down 实验当天或前一天进行体外转录实验。
- ii. 当目标序列过短 (<300bp) 或过长 (>4kb) 时，探针制备难度将增加；长序列可以分段进行实验。

III 操作方法

1. 样本裂解

(1) 将两组样本（实验组+对照组）按照如下方法收集和处理：

样本类型	样本量	收集方法
革兰氏阴性细菌	100μL 菌体沉淀	冷 PBS (RNase-free) 漂洗 2~3 次，每次 4 °C 5000 g 离心 5 min 收集沉淀，尽量吸干液体
小型真菌	200~400 mg	RNase-free 水清洗干净，用手术剪刀将样本尽可能剪碎，用液氮在研钵中充分研磨，再转移粉末至预冷的、新的无 RNase 离心管中

- (2) 将样本管置于冰上，加入 1 mL 预冷的②裂解缓冲液、10 μL ⑦蛋白酶抑制剂（按 1%添加）和 5 μL ⑧RNA 酶抑制剂（按 0.5%添加），吹打混匀；
- (3) 冰上超声破碎至溶液基本澄清；
- (4) 4℃ 12000 g 离心 15 min，收集上清至新的无 RNase 离心管中；
- (5) 取 30 μL 作为 input，剩余上清平分为两份用于 RNA pull-down 实验（记为实验组和对照组），置于冰上备用或 -80℃ 保存。

- * 注意：** i. 当样本不能完全裂解时（溶液很浑浊），可以增加裂解缓冲液或改善超声条件继续裂解。超声条件因样本类型和超声设备而异，应提前摸索好合适的条件。
- ii. 如果样本中目标蛋白或 RNA 丰度较低，或结合物间的结合较弱，可以增加初始样本量，同时等比例增加裂解缓冲液和酶抑制剂的用量，但总孵育体积最大不超过离心管体积的 2/3，体积过大可以更换大规格离心管。

2. 磁珠准备

- (1) 将①磁珠上下颠倒混匀，取实验组和对照组一共所需的 80 μL 磁珠到新的无 RNase 离心管中；
- (2) 加入 1 mL ③NT2 缓冲液，颠倒混匀 30 次，放磁力架上静置 1 min 并弃上清；
- (3) 重复上步操作一次；
- (4) 加入 400 μL ③NT2 缓冲液，上下颠倒重悬磁珠；
- (5) 将磁珠平分为两份，每组各约 200 μL，转移到新的无 RNase 离心管中，记为实验组和对照组。

3. 漂洗液准备

为了防止实验过程中的蛋白和 RNA 降解，需要向漂洗液中添加蛋白酶抑制剂和 RNase 抑制剂。取出⑨10 mL 离心管，加入实验组和对照组总共所需的 5 mL ⑤漂洗液、25 μ L ⑦蛋白酶抑制剂（按 0.5%添加）和 2.5 μ L ⑧ RNase 抑制剂（按 0.05%添加），混合均匀，冰上保存，现配现用。如果有多组样本，请按照实际使用量配置。

4. RNA pull-down

- (1) 取实验组和对照组 RNA 探针各 3 μ g，95 $^{\circ}$ C 变性 3 min，冰浴 1 min，短暂离心甩下管壁液体，向管中加入 50 μ L ④RNA 结构缓冲液，室温放置 30 min；
- (2) 将 RNA 探针分别加入对应的磁珠（步骤 2 制备）中，混匀仪上室温孵育 30 min；
- (3) 放磁力架上静置 1 min 并弃上清；
- (4) 每组加入 500 μ L 漂洗液（步骤 3 准备），颠倒混匀 30 次，放磁力架上静置 1 min 并弃上清；
- (5) 重复上步操作一次；
- (6) 加入相应组别的样本裂解液（步骤 1 制备），混匀仪上 4 $^{\circ}$ C 孵育 2~4 h；
- (7) 放磁力架上静置 1 min 并弃上清；
- (8) 每组加入 500 μ L 漂洗液（步骤 3 准备），颠倒混匀 30 次，放磁力架上静置 1 min 并弃上清；
- (9) 重复上步漂洗操作两次，共漂洗三次，保留磁珠。

5. 蛋白洗脱（选做）

如果需要对 pull down 产物进行蛋白检测，可以在以下方案中选择合适的洗脱方法。

- (1) 非变性洗脱法：向磁珠中加入 50 μ L ⑥洗脱缓冲液，涡旋震荡 20 s，混匀仪上室温洗脱 10~15 min；涡旋震荡 20 s，1000 g 离心 20 s；放磁力架上静置 1 min，收集上清至新的离心管中，-80 $^{\circ}$ C 保存。该洗脱产物保持原有的生物活性，适用于后期各种检测，例如质谱、SDS-PAGE 或 Western-blot 等。
- (2) SDS-PAGE 上样缓冲液洗脱法（变性洗脱法）：向磁珠中加入 50 μ L 1 \times SDS-PAGE 上样缓冲液，95 $^{\circ}$ C 加热 5 min；磁力架上静置 1 min，收集上清至新的离心管中。该洗脱产物适用于 SDS-PAGE 或 Western Blot 检测；如果需要进行质谱检测，则切胶条后送检。

* 注意：

- i. 本试剂盒提供的洗脱缓冲液可以兼容质谱，辉骏生物也可以提供蛋白的质谱检测服务。
- ii. 如果选择非变性洗脱法，可以暂时保留洗脱后的磁珠，当非变性洗脱效率较低时，则采用 SDS-PAGE 上样缓冲液洗脱法继续洗脱蛋白。
- iii. RNA pull-down 捕获的蛋白量通常较少，因此 SDS-PAGE 建议用硝酸银染色，染色步骤参考如下：
（为了便于称量，每步配置的溶液体积较大，实际操作时取适量溶液浸泡胶即可）
 - (1) 固定：30 min（乙醇：乙酸：水=4：1：5 体积比）；
 - (2) 敏化：30 min（乙酸钠 10.2 g，硫代硫酸钠 0.471 g，乙醇 45 mL，加水至 150 mL）；
 - (3) 水洗：4 次，每次 10 min；

- (4) 银染: 30 min (硝酸银 0.375 g, 加水至 150 mL);
- (5) 水洗: 2 次, 每次 40 s;
- (6) 显色: 显影至条带清楚 (碳酸钠 3.75 g, 60 μ L 甲醛, 加水至 150 mL);
- (7) 终止: 5 min (Na₂EDTA 2.19 g, 加水至 150 mL)。

6. RNA 提取纯化 (选做)

如果需要对 pull down 产物进行 RNA 检测, 请购买微量 RNA 提取试剂盒或按照以下步骤提取 RNA。

- (1) 向磁珠中加入 1 mL Trizol, 室温静置 5 min, 4 °C 12000 g 离心 10 min, 取上清;
- (2) 加入 0.2 mL 氯仿, 涡旋混匀或猛烈晃动 15 s, 室温放置 2~3 min;
- (3) 4 °C 12000 g 离心 15 min, 吸取水相至新的无 RNase 离心管中 (约可吸取 0.5-0.55 mL);
- (4) 加入 0.5 mL 异丙醇, 颠倒数次混匀, 室温下沉淀 10 min 或 -20 °C 沉淀过夜;
- (5) 4 °C 12000 g 离心 10 min, 管底可见 RNA 沉淀, 弃上清;
- (6) 加入 1 mL 75%乙醇 (DEPC 水或 RNase-free 水配制);
- (7) 4 °C 12000 g 离心 10 min, 弃上清; 5000 g 快速离心 1 s, 小心吸尽液体;
- (8) 待 RNA 略干后, 加入 20 μ L DEPC 水或 RNase-free 水或溶解, -80 °C 保存或直接进行反转录。

- * 注意: i. Pull down 后的 RNA 一般较微量, 操作时注意勿把 RNA 沉淀吸走;
 ii. 切勿让 RNA 过分干燥, 否则将极难溶解, 且测出的 A260/280 值会低于 1.6。

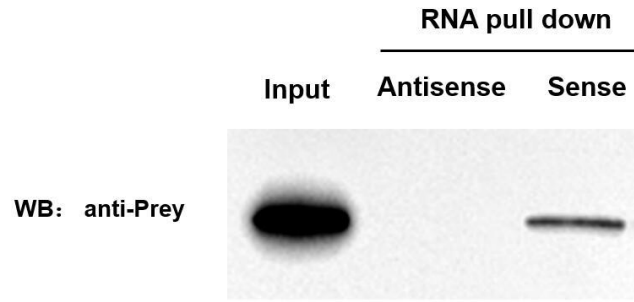
问题解决

问题	可能原因	解决方案
获得的复合物少	样本或蛋白量不够	提高样本用量
	孵育时间不够	延长孵育时间 (如孵育过夜), 但需要注意孵育时间过长也可能导致非特异性结合增多
	RNA 量不够	提高 RNA 用量
SDS-PAGE 检测有很多非特异结合的条带	非特异性的蛋白结合在磁珠上	增加漂洗时间和次数, 或样本预处理: 先与磁珠孵育, 去除非特异结合蛋白

使用案例

实验目标: 检测目标 RNA 与待测蛋白 (Prey) 是否存在相互作用。

- (1) Input: 样本裂解;
- (2) Antisense: 目标 RNA 反义链探针的 pull-down 产物 (对照组);
- (3) Sense: 目标 RNA 正义链探针的 pull-down 产物 (实验组)。



待测蛋白的 RNA pull-down WB 检测图